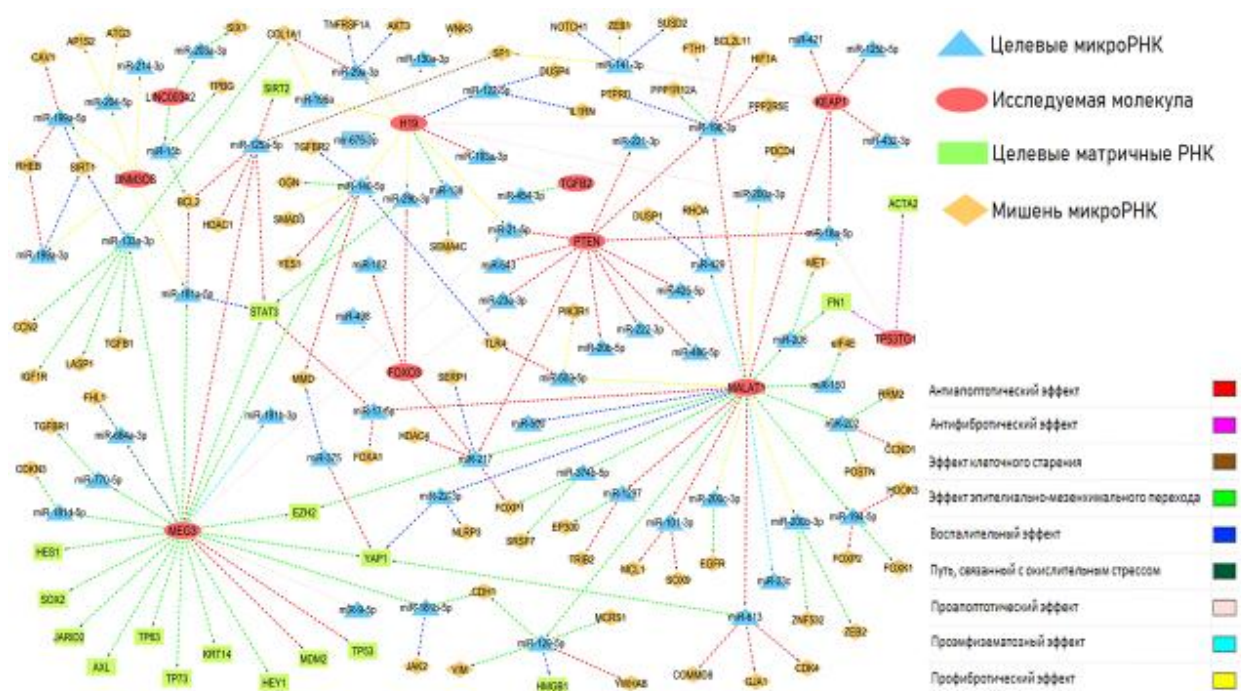
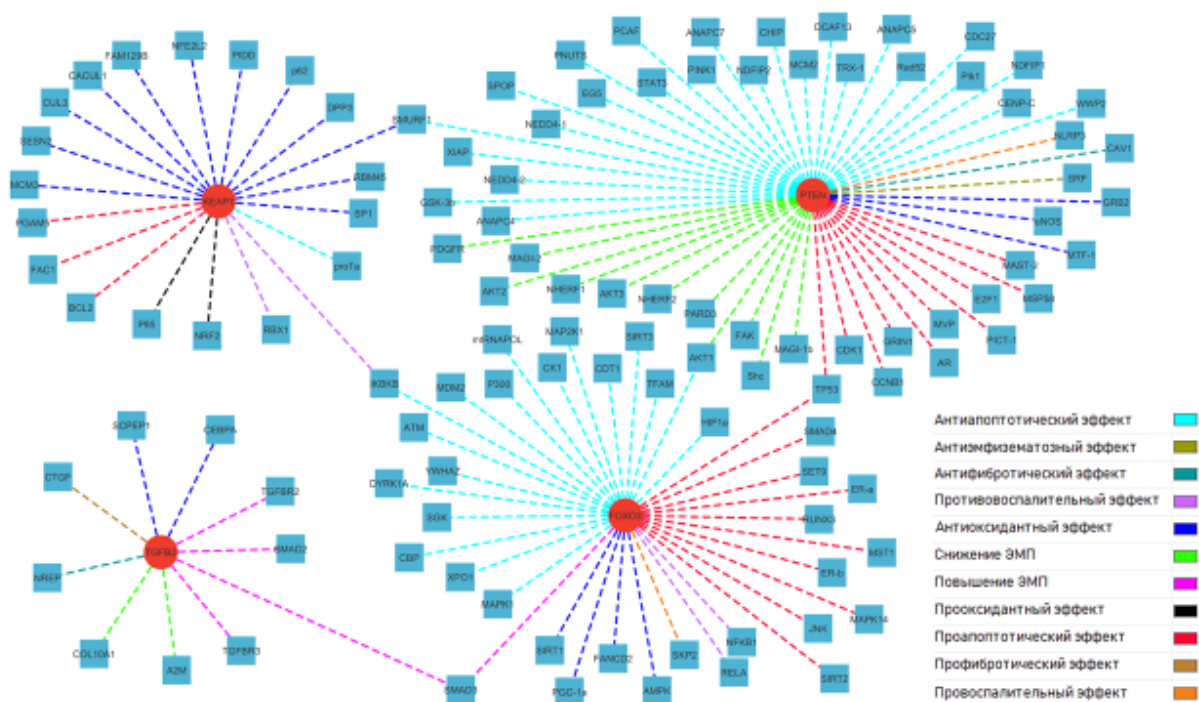




Приложение Рис. 1 Анализ взаимодействий днРНК-микроРНК с мРНК.

Для визуализации сети взаимодействия днРНК-микроРНК-мРНК использовался инструмент Cytoscape 3.10.0 (<https://cytoscape.org>) на основе набора данных, полученных в результате анализа исследуемых генов в NetworkAnalyst 3.0 (<https://www.networkanalyst.ca/NetworkAnalyst/>) с использованием интегрированной базы данных miRTarBase v8.0 (https://mirtarbase.cuhk.edu.cn/~miRTarBase/miRTarBase_2019/php/download.php)



Приложение Рис. 2. Сеть белок-белковых взаимодействий

Для визуализации сети белок-белковых взаимодействий использовался инструмент Cytoscape 3.10.0 на основе набора данных, полученных в результате анализа исследуемых генов в NetworkAnalyst 3.0, с использованием интегрированной базы данных IMEx Interactome (<https://www.networkanalyst.ca/NetworkAnalyst>) и NCBI PubMed (<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/>).